

Untersuchungsauftrag molekularbiologische Diagnostik hämato-onkologischer Erkrankung

Patienten-Etikett

Name, Vorname:

Geb.-Dat.:

Adresse (bei Privatpatienten):

stationär ambulant

Kostenträger

Privatpatient:
 (bei stationären Privatpatienten: Wahlleistungsvereinbarung liegt vor?)

Kassenpatient:

§ 116b:

andere Versicherungsformen:
(z.B. Berufsgenossenschaft, Postbeamtenkrankenkasse)

Diagnose/Fragestellung

Diagnose gesichert? ja nein

AML CML PV ET PMF sonst. MPN MDS ALL CLL

Bemerkungen:

sonstige: _____

Probenstatus

Erstdiagnose Verlaufskontrolle V.a. Rezidiv gesichertes Rezidiv

Untersuchungsmaterial

Entnahmedatum: _____ Entnahmezeitpunkt: _____
TT/MM/JJJJ Uhrzeit

Peripheres Blut Knochenmark Stammzellasservat sonstiges: _____

Anforderung

Translokationen:

AML-typische Translokationen¹ CML ED (BCR-ABL1) ALL ED (BCR-ABL1) MLN-Eo (FGFR1, PDGFRA, PDGFRB, FIP1L1-PDGFR)

Stufendiagnostik:

PV ET PMF
 MPN erweitert (NGS) MDS (NGS) CLL (IGHV SHM-Status, TP53)

Mutationsanalyse:

(Fragmentanalyse, Sanger Sequenzierung oder NextGenerationSequencing)

<input type="checkbox"/> ABL1*	<input type="checkbox"/> DNMT3A	<input type="checkbox"/> KIT (Ex2,8-11,13-17)	<input type="checkbox"/> RUNX1
<input type="checkbox"/> ASXL1 (Ex12)	<input type="checkbox"/> FLT3 ITD (Exon 14, 15)	<input type="checkbox"/> KRAS (Ex2-4)	<input type="checkbox"/> SETBP1 (Ex4 partiell)
<input type="checkbox"/> BCOR	<input type="checkbox"/> FLT3 TKD (Exon 20)	<input type="checkbox"/> MPL (Ex10)	<input type="checkbox"/> SF3B1 (Ex13-16)
<input type="checkbox"/> BRAF (Ex15)	<input type="checkbox"/> ETV6	<input type="checkbox"/> MYD88 (Ex3-5)	<input type="checkbox"/> SMC1A (Ex2,11,16,17)
<input type="checkbox"/> BTK*	<input type="checkbox"/> EZH2	<input type="checkbox"/> NOTCH1 (Ex26-28,34)	<input type="checkbox"/> SRSF2 (Ex1)
<input type="checkbox"/> CALR (Ex9)	<input type="checkbox"/> GATA2 (Ex2-6)	<input type="checkbox"/> NPM1 (Ex12)	<input type="checkbox"/> STAG2
<input type="checkbox"/> CBL (Ex8,9)	<input type="checkbox"/> IDH1 (Ex4)	<input type="checkbox"/> NRAS (Ex2-4)	<input type="checkbox"/> TET2 (Ex3-11)
<input type="checkbox"/> CEBPA	<input type="checkbox"/> IDH2 (Ex4)	<input type="checkbox"/> PHF6	<input type="checkbox"/> TP53 (Ex2-11)
<input type="checkbox"/> CSF3R (Ex14-17)	<input type="checkbox"/> IKZF1	<input type="checkbox"/> PLCG2*	<input type="checkbox"/> U2AF1 (Ex2,6)
<input type="checkbox"/> CUX1	<input type="checkbox"/> JAK2 (Ex12)	<input type="checkbox"/> PTPN11 (Ex3,13)	<input type="checkbox"/> WT1 (Ex7,9)
<input type="checkbox"/> CXCR4 (Ex 2)	<input type="checkbox"/> JAK2 (Ex14 u.a.V617F)	<input type="checkbox"/> RAD21	<input type="checkbox"/> ZRSR2

MRD Diagnostik:

Bitte Information zum bekannten Marker inkl. Subtyp angeben!

AML-typische Translokation _____
 NPM1
 BCR-ABL1
 andere _____

Bemerkung und weitergehende Information:

Einsender (Arzt-, Klinikstempel)

Unterschrift:

Versandadresse:

AgenDix GmbH,
z. Hd. Prof. Dr. Christian Thiede
Fiedlerstr. 36
01307 Dresden

Wichtige Hinweise zur Probenannahme

- Die Probe sollte **innerhalb von 48 Stunden** nach Abnahme unser Labor erreichen. Nach Überschreitung dieses Zeitfensters kann es zu Qualitätsverlusten des zu isolierenden Materials kommen, eine Analyse kann dann evtl. nicht mehr möglich sein. Der Versand per Kurier wird daher empfohlen. Die Materialannahme erfolgt zur Zeit Montag bis Samstag.
- Das abgenommene Blut bzw. Knochenmark bitte bei **Raumtemperatur** lagern und versenden.

molekularbiologische Marker

Erkrankung/ Diagnostik	AML	CML	PV	ET	PMF	sonst. MPN	MDS	ALL	CLL	sonst.
ABL1*	(x)	x						Ph ⁺		
AMLplex ¹	x						(x)	x		
ASXL1	x		x	x	x	CNL/aCML/CMML	x			Mastozytose
BCOR	x						(x)			
BCR-ABL1		x								
BRAF							(x)			HZL, Multiples Myelom
BTK*									x	
CALR			(x)	x	x	RARS-T				
CBL	x		(x)	(x)	x	aCML/CMML	(x)			Mastozytose
CEBPA	x						(x)			
CSFR3						CNL/aCML				
CXCR4										Morbus Waldenström
DNMT3A	x		x	x	x		x	T-ALL		
ETV6			x	x	x	x	x			
EZH2	(x)		x	(x)	x	CMML	x			
GATA2	x									
IDH1	x		(x)	(x)	x		x	T-ALL		
IDH2	x		(x)	(x)	x		x	T-ALL		
IGHV SHM-Status									x	
JAK2 Exon 12			x							
JAK2 Exon 14			x	x	x	RARS-T/CMML	x	(x) B-ALL		
KIT	x					CMML	(x)			Mastozytose (E17)
KRAS	x					aCML/CMML	(x)			
MPL				x	x	x	(x)			
MTHFR										Hyperhomocysteinämie
MYD88						CNL			(x)	B-NHL, Morbus Waldenström
NOTCH1								T-ALL	x	
NPM1	x						(x)			
NRAS	x					aCML/CMML	x			
PHF6	x							T-ALL		
PLCG2*									x	
PTPN11	x					CMML	(x)			
RUNX1	x		x	x	x	CMML	x	T-ALL		
SETBP1						CNL/aCML				
SF3B1	x		(x)	(x)	x	RARS-T	x		x	
SRSF2	x		(x)	(x)	x	CNL/aCML	x			
TET2	x		x	x	x	CMML	x			
TP53	x		x	x	x	CMML	x	(x) B-ALL	x	Multiples Myelom
U2AF1	x		(x)	(x)	x	CNL	x			
UGT1A1										bei Irinotecan-Therapie
WT1	x						(x)			
ZRSR2	x						x			

x wichtiger Marker (zur Eingrenzung der Diagnose u./o. mit prognostischer Relevanz)

(x) selten <1%

*bei Verdacht auf Therapieresistenz bei Gabe eines Tyrosinkinasehemmers

¹Folgende Genfusionen (*verschiedene Bruchpunkte & Varianten) können mit **AMLplex** nachgewiesen werden:
PICALM-MLLT10 [t(10;11)(p13;q14)*], **BCR-ABL1** [t(9;22)(q34;q11)*], **CBFB-MYH11** [inv(16)(p13;q22)*],
DEK-NUP214 [t(6;9)(p23;q34)], **KMT2A-MLLT4** [t(6;11)(q27;q23)], **KMT2A-MLLT3** [t(9;11)(p22;q23)*],
KMT2A-ELL [t(11;19)(q23;p13.1)*], **KMT2A-PTD** [part. tandem duplication*], **NPM1-MLF1** [t(3;5)(q25.1;q34),
PML-RARA [t(15;17)(q22;q21)*], **RUNX1/RUNX1T1** [t(8;21)(q22;q22)]